

(12)特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(19)世界知的所有権機関
国際事務局



(43)国際公開日
2005年3月10日 (10.03.2005)

PCT

(10)国際公開番号
WO 2005/021745 A1

(51)国際特許分類⁷:
15/12, C12Q 1/68, G01N 33/50, 33/15

C12N 15/09,

(74)代理人: 小林 浩, 外(KOBAYASHI, Hiroshi et al.); 〒1040028 東京都中央区八重洲二丁目8番7号 福岡ビル9階 阿部・井窪・片山法律事務所 Tokyo (JP).

(21)国際出願番号:

PCT/JP2004/012425

(22)国際出願日:

2004年8月23日 (23.08.2004)

(25)国際出願の言語:

日本語

(26)国際公開の言語:

日本語

(30)優先権データ:

特願2003-299363 2003年8月22日 (22.08.2003) JP
特願2003-334444 2003年9月25日 (25.09.2003) JP

(71)出願人(米国を除く全ての指定国について): 学校法人
日本大学 (NIHON UNIVERSITY) [JP/JP]; 〒1028275
東京都千代田区九段南四丁目8番24号 Tokyo (JP).

(72)発明者; および

(75)発明者/出願人(米国についてのみ): 江角 真理子
(ESUMI, Mariko) [JP/JP]; 〒1028275 東京都千代田区
九段南四丁目8番24号 学校法人日本大学内 Tokyo (JP).
高山 忠利 (TAKAYAMA, Tadatoshi) [JP/JP]; 〒1028275
東京都千代田区九段南四丁目8番24号 学校法人日本
大学内 Tokyo (JP). 高木 恵子 (TAKAGI, Keiko) [JP/JP];
〒1028275 東京都千代田区九段南四丁目8番24号 学
校法人日本大学内 Tokyo (JP).

(81)指定国(表示のない限り、全ての種類の国内保護が可能): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR,
BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM,
DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU,
ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS,
LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NA,
NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE,
SG, SK, SL, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US,
UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.

(84)指定国(表示のない限り、全ての種類の広域保護が可能): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD,
SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ヨーラシア (AM, AZ, BY,
KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ヨーロッパ (AT, BE, BG,
CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE,
IT, LU, MC, NL, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI (BF,
BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN,
TD, TG).

添付公開書類:

- 國際調査報告書
- 請求の範囲の補正の期限前の公開であり、補正書受領の際には再公開される。

2文字コード及び他の略語については、定期発行される各PCTガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語のガイダンスノート」を参照。

A1

(54) Title: HEPATOCELLULAR CANCER-ASSOCIATED GENE

(54)発明の名称: 肝細胞癌に関連する遺伝子

(57) Abstract: It is intended to provide a method of evaluating cancer which comprises the following steps: (a) collecting total RNAs from a specimen; (b) measuring the expression amount of at least one gene from among the genes listed in TABLES 1 to 8; and (c) evaluating cancer by using the measurement data as an indication.

(57)要約: 本発明は、癌の評価方法であって、以下のステップ: (a)検体からtotal RNAを採取し、(b)表1~8に示される遺伝子の中の少なくとも1つ以上の遺伝子の発現量を測定し、(c)前記測定結果を指標として癌を評価することを含む前記方法を提供する。

WO 2005/021745 A1